

## Personalisierte genetische Tumoranalysen mit Next Generation Sequencing (NGS)

NEU



Molekularpathologie

Jeder Tumor zeigt eine unterschiedliche Konstellation von genetischen Veränderungen (Mutationen). Die Information über diese Mutationen spielt eine immer wichtigere Rolle sowohl in der Diagnostik als auch in der onkologischen Behandlung (prognostisch und prädictiv für den Therapieentscheid).

Die Detektion aller relevanten Mutationen ist heutzutage durch parallele Sequenzierung von mehreren Genen innerhalb kurzer Zeit am Tumor mittels Hochdurchsatz-Sequenzierung (NGS) von DNA und RNA möglich.

### Methode

Next Generation Sequencing ermöglicht die zielgerichtete DNA- und RNA-basierte Sequenzierung zur simultanen Detektion klinisch relevanter Mutationen, Kopienzahlvariationen und Fusionstranskripten.

### Panels im Angebot

#### **Oncomine™ Focus Assay (Life Technologies)**

*ABL1, AKT1, AKT3, ALK, AR, AXL, BRAF, CCND1, CDK4, CDK6, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB2, ERBB3, ERBB4, ERG, ESR1, ETV1, ETV4, ETV5, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, GNA11, GNAQ, HRAS, IDH1, IDH2, JAK1, JAK2, JAK3, KIT, KRAS, MAP2K1, MAP2K2, MET, MTOR, MYC, MYCN, NRAS, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFRA, PIK3CA, PPARG, RAF1, RET, ROS1, SMO*

#### **BRCA1 und BRCA2 (Life Technologies)**

Kodierende Abschnitte der Gene *BRCA1* (Exone 2-24) und *BRCA2* (2-27)

**Material:** Formalin-fixiertes Tumorgewebe  
Zytologisches Material

**Ansprechpartner:** PD Dr. med. Davide Soldini  
Telefon direkt: 044 269 99 28

...und Ihre Partnerlabors