

Institut für Klinische Pathologie Molekularpathologie

medica

MEDIZINISCHE LABORATORIEN Dr. F. KAEPPELI AG

Hottingerstrasse 9, Postfach 8024 Zürich
Telefon: 044 269 99 88 Fax: 044 269 99 35

PATIENTENDATEN

Name	Patientennummer:
Vorname	Geburtsdatum:
Strasse	
PLZ / Ort	

EINSENDER, AUFTRAGGEBER

Datum

Befundkopie an:

Auftraggeber Patient Andere

Rechnung an:

Auftraggeber Patient Andere

Externe Probe-Nr.:

Material

Paraffin Zytologie Blut

NGS (Next Generation Sequencing)

- Oncomine™ Focus Assay**
 DNA Panel: 35 Gene, 19 CNV
 RNA Panel: 23 Gene (Fusionen)
- Oncomine™ Comprehensive v3 Assay**
 DNA Panel: 135 Gene, 43 CNV
 RNA Panel: 51 Gene (Fusionen)
- Oncomine™ BRCA**
 (alle kodierenden Abschnitte der Gene *BRCA1* und *BRCA2*)
- Oncomine™ Tumor Mutation Load Assay (TMB)**
 (Tumormutationslast pro Megabase, 409 Gene)
- Lunge** (*EGFR, KRAS, BRAF, ERBB2/HER2, ALK, ROS1, MET, RET* und weitere Gene des Oncomine™ Focus Assay Panel)
 Adenokarzinom Lunge Stufe 1
 1a *EGFR, KRAS* (exon 2)
 1b *ALK, BRAF*
 1c *ERBB2/HER2, ROS1*, TMB, zusätzlich PD-L1 (IHC)
- Adenokarzinom Lunge Stufe 2 (Stufe 1 negativ oder Rezidiv auf EGFR-Inhibitoren)**
 2a *EGFR* (T790) (bei Rebiopsie)
 2b *BRAF, ERBB2/HER2* (IHC), *RET, MET, TRK*
- Kolon** (*KRAS, NRAS, BRAF, PIK3CA* und weitere Gene des Oncomine™ Focus Assay Panel)
- GIST** (*KIT, PDGFRA* und weitere Gene des Oncomine™ Focus Assay Panel)
- Melanom** (*BRAF, NRAS, KIT* und weitere Gene des Oncomine™ Focus Assay Panel)
- Mamma / Ovarien / Pankreas / Prostata** (Oncomine™ BRCA Panel)

FRAGMENT-ANALYSE

- Klonalitätsanalysen**
 IgH PCR (B-Zell-Neoplasie)
 TCRG PCR (T-Zell-Neoplasie)
- Mikrosatelliten Instabilität**
 PCR (Bethesda Panel, NR-21, NR-24, NR-27) ¹
 Immunhistochemie (MLH1, MSH2, MSH6, PMS2)
 Immunhistochemie, falls Ausfall → PCR¹

FISH

- Lunge**
- | | | |
|-----------------------------------|---------------|---------------|
| <input type="checkbox"/> ALK | Translokation | (BA, 2p23) |
| <input type="checkbox"/> ROS1 | Translokation | (BA, 6q22) |
| <input type="checkbox"/> RET | Translokation | (BA, 10q11) |
| <input type="checkbox"/> MET/CEP7 | Amplifikation | (7q31/7p11.1) |
- Lymphome**
- | | | |
|--------------------------------|---------------|-------------|
| <input type="checkbox"/> MYC | Translokation | (BA, 8q24) |
| <input type="checkbox"/> BCL2 | Translokation | (BA, 18q21) |
| <input type="checkbox"/> BCL6 | Translokation | (BA, 3q27) |
| <input type="checkbox"/> CCND1 | Translokation | (BA, 11q13) |
| <input type="checkbox"/> MALT1 | Translokation | (BA, 18q21) |
- Mamma und Magen**
- | | | |
|--------------------------------------|---------------|---------|
| <input type="checkbox"/> HER2/CEN 17 | Amplifikation | (17q12) |
|--------------------------------------|---------------|---------|
- Urothel**
- Urovision
- Weichteile**
- | | | |
|--------------------------------------|---------------|---------|
| <input type="checkbox"/> MDM2/CEN 12 | Amplifikation | (12q15) |
|--------------------------------------|---------------|---------|

EINZELNE GEN-SEQUENZIERUNG (Sanger Sequencing)

- BRAF* (exon 15)
 EGFR (exon 18, 19, 20, 21)
 ERBB2/HER2 (exon 19, 20)
 KRAS (exon 2, 3, 4)
 KIT (exon 8, 9, 11, 13, 14, 17)
 NRAS (exon 2, 3, 4)
 PDGFRA (exon 12, 18)

IMMUNHISTOCHEMIE (IHC)

- Mikrosatelliten Instabilität (MLH1, MSH2, MSH6, PMS2)
 PD-L1
 PD1
 ALK
 ROS1
 ERBB2/HER2
 DLL3

Kommentar

Wir bitten Sie, für alle Analysen mindestens einen repräsentativen Paraffinblock mit dazugehörigem HE-Schnitt einzusenden. Diese werden nach Abschluss der Analyse zurückgeschickt.

¹ Bitte Probe ohne Tumor mitliefern (Paraffinblock oder EDTA-Blut).
 BA: break-apart